

بررسی فراوانی مقاومت به ونکومایسین در میان سویه‌های انتروکوکوس فسیوم جدا شده از عفونت‌های ادراری در بیمارستان‌های تهران

لیلی شکوهی زاده^۱، دکتر اشرف محبتی مبارز^۲، دکتر محمد رضا زالی^۳، دکتر رضا رنجبر^۴، دکتر مسعود ال بویه^۵

نویسنده‌ی مسؤول: تهران، دانشگاه تربیت مدرس، دانشکده‌ی علوم پزشکی

دریافت: ۹۲/۴/۹ پذیرش: ۹۲/۷/۱۵

چکیده

زمینه و هدف: سویه‌های مقاوم به ونکومایسین انتروکوکوس فسیوم (*VRE*) شایع‌ترین عامل ایجاد عفونت‌های ادراری در بیماران بستری می‌باشد. هدف از این مطالعه بررسی فراوانی عفونت‌های ادراری ناشی از انتروکوک فسیوم و همچنین تعیین میزان مقاومت به ونکومایسین و دیگر آنتی‌بیوتیک‌های موثر در درمان این عفونت‌ها در بیماران بستری در چهار بیمارستان آموزشی در شهر تهران بود. روش بررسی: نمونه‌گیری به مدت ۹ ماه از شهریور سال ۱۳۹۱ تا اردیبهشت ۱۳۹۰ در سویه‌های ادراری از بیماران بستری در بیمارستان‌های طالقانی، لقمان، مغید و لبافی نژاد در تهران جمع‌آوری گردید. براساس تست‌های بیوشیمیابی و مولکولی گونه‌های انتروکوک شناسایی شدند. حساسیت ضد میکروبی سویه‌های انتروکوکوس فسیوم و میزان حداقل غلاظت مهاری (*MIC*) ونکومایسین به روش دیسک دیفیوژن و آگار دیلوشن تعیین گردید. حضور زن‌های *vanB* و *vanA* در سویه‌های *VRE* توسط تست PCR مورد بررسی قرار گرفت.

یافته‌ها: در مجموع ۸۶ ایزوله انتروکوک از نمونه‌های ادراری جدا گردید که شامل ۵۲ درصد ۴۵ ایزوله انتروکوکوس فسیوم بودند. درصد از سویه‌های انتروکوکوس فسیوم به ونکومایسین مقاوم بوده و ژنوتیپ *vanA* را نشان می‌دادند. تمامی سویه‌های *VRE* نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های آمپیسیین، جنتامیسین، سیپروفلوكسازین و اریترومایسین و ۷۸ درصد آن‌ها به نیتروفورانتوئین مقاوم و همگنی نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های لینزولايد و کوینوپریستین - دالفوپریستین حساس بودند. در سویه‌های مقاوم به ونکومایسین *MIC*₅₀ بیش از ۱۲۸ و *MIC*₉₀ بیش از ۲۵۶ میلی‌گرم در میلی‌لیتر تعیین گردید.

نتیجه گیری: افزایش سویه‌های مقاوم به ونکومایسین انتروکوکوس فسیوم با الگوهای مقاومتی پر خطر تهدیدی جای در بیمارستان‌های ایران بوده، موجب محدودیت در گزینه‌های درمانی برای بیماران مبتلا به عفونت‌های ناشی از انتروکوکوس فسیوم می‌شود.

واژگان کلیدی: انتروکوکوس فسیوم، عفونت ادراری، مقاومت، ونکومایسین

مقدمه

عفونت‌های ادراری ۳۰ تا ۴۰ درصد از مجموع عفونت‌های اکتسابی بیمارستانی را تشکیل می‌دهند

و شایع‌ترین عفونت ایجاد شده ناشی از انتروکوک‌ها می‌باشد. انتروکوک‌ها عامل شایع سیستیت، پروستاتیت و اپیدمیت

- ۱- دانشجوی دکرای باکتری شناسی، دانشکده‌ی علوم پزشکی، دانشگاه تربیت مدرس تهران
- ۲- دکرای تخصصی میکروب شناسی، دانشیار گروه باکتری شناسی، دانشکده‌ی علوم پزشکی، دانشگاه تربیت مدرس تهران
- ۳- فوق تخصص گوارش و کبد، استاد مرکز تحقیقات گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران
- ۴- دکرای تخصصی باکتری شناسی، دانشیار مرکز تحقیقات بیولوژی مولکولی دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله، تهران
- ۵- دکرای تخصصی باکتری شناسی، مرکز تحقیقات گوارش، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی

(دی‌آلانین - دی‌آلانین) در مرحله‌ی آخر پیش سازهای پنتاپتیدی پپتید و گلیکان کمپلکس‌هایی تشکیل می‌دهند باعث از بین رفتن استحکام ساختاری دیواره‌ی سلولی و در نتیجه مرگ سلول می‌شود. بر اساس خصوصیات فنوتیپی و ژنوتیپی تا کنون هفت نوع مقاومت اکتسابی به ونکومایسین (*vanA*, *vanB*, *vanD*, *vanE*, *vanG*, *vanL*, *vanM*, *vanN*) و یک نوع مقاومت ذاتی *vanC* گزارش گردیده است. مقاومت نوع *vanB* و *vanA* غالب‌ترین نوع مقاومت در ایجاد مقاومت به ونکومایسین می‌باشد، دسته‌ی ژنی *vanA* مقاومت سطح بالا و قابل القا به ونکومایسین $MIC \geq 64 - 1000 \mu\text{g}/\text{ml}$ (MIC₁₆) و تیکوپلازین-16 ($512 \mu\text{g}/\text{ml}$) را ایجاد می‌کند که معمولاً از طریق *vanB* ترانسپوزون Tn1546 منتقل می‌گردد. دسته‌ی ژنی *vanB* باعث یک مقاومت قابل القا سطح پایین تا بالا به ونکومایسین ($MIC = 4 - 16 \mu\text{g}/\text{ml}$) می‌شود و به تیکوپلازین حساس است که معمولاً بر روی کروموزوم قرار دارند ولی ممکن است بر روی پلاسمید نیز حمل شود (۱۲-۷). اولین مورد مقاومت به ونکومایسین از اروپا گزارش گردید و یک سال بعد از ایالات متحده و تا به امروز ظهرور VRE در بسیاری از کشورها از جمله ایران گزارش شده است. به طوری که امروزه به عنوان یک پاتوژن مهم بیمارستانی در نظر گرفته می‌شوند (۱۳-۱۴). با توجه به افزایش مرگ و میر و هزینه‌های درمانی ناشی از سویه‌های VRE در بیمارستان‌ها، اطلاع از نوع پاتوژن‌های دخیل در ایجاد عفونت‌های ادراری و همچنین الگوهای مقاومتی آن‌ها در کنترل و درمان این عفونت‌ها اهمیت بسیار حائز اهمیت می‌باشد. هدف از این مطالعه بررسی فراوانی مقاومت به ونکومایسین و همچنین مقایسه الگوهای مقاومت آنتی‌بیوتیکی در سویه‌های انتروکوکوس فسیوم جدا شده از عفونت‌های ادراری بیماران بستری در بخش‌های مختلف چهار بیمارستان آموزشی در شهر تهران بود.

در افراد مسن می‌باشد که در این افراد، عفونت‌های دستگاه ادراری فوقانی می‌تواند منجر به باکتریمی شده، در زنان جوان عامل سیستیت مزمن غیر شایع می‌باشد (۱). انتروکوکوها، کوکسی‌های گرم مثبتی هستند که بخشی از فلور میکروبی روده‌ی انسان و حیوانات بوده، می‌توانند در دستگاه تنفسی فوقانی، مجاری صفراء، حفره‌ی دهان، مثانه، واژن و دیگر نقاط نیز کلونیزه شوند. فلور کومنسال خود بیمار مهم‌ترین منبع عفونت‌های انتروکوکی محسوب می‌گردد (۲) دو گونه انتروکوکوس فسیوم و انتروکوکوس فکالیس بیش از سایر گونه‌های انتروکوک در ایجاد عفونت‌های انتروکوکی دخیل می‌باشد (۳). مهم‌ترین دلیل اهمیت انتروکوکها مقاومت ذاتی آن‌ها به آنتی‌بیوتیک‌های معمول و کسب مقاومت در برابر تقریباً تمامی آنتی‌بیوتیک‌های در دسترس ICU می‌باشد (۴). در بخش‌های پر خطری همچون VRE انتروکوک‌ها به خصوص انتروکوک‌های مقاوم در برابر ونکومایسین (VRE) بیماری‌زای عمدۀ دستگاه ادراری می‌باشند. طبق مطالعات و نتایج منتشر شده اکثر VRE ها متعلق به انتروکوکوس فسیوم می‌باشند (۱).

ظهور سویه‌های VRE کنترل و درمان عفونت ناشی از انتروکوکوس فسیوم را دچار مشکل کرده است، چرا که این نوع سویه‌ها علاوه بر مقاومت ذاتی در برابر بسیاری آز آنتی‌بیوتیک‌ها قادر به کسب ژن‌های مقاومت به آنتی‌بیوتیک‌های موجود می‌شوند (۵-۶). مناسب‌ترین درمان برای عفونت‌های انتروکوکی ترکیب یک آنتی‌بیوتیک گلیکوپپتید مانند ونکومایسین یا یک آنتی‌بیوتیک بتالاکتام مانند آمپیسیلین به همراه یک آنتی‌بیوتیک آمینوگلیکوزیدی مانند جتابامیسین می‌باشد. که اکثر سویه‌های VRE به غلاظت‌های بالای ونکومایسین، آمینوگلیکوزیدها و بتالاکتام‌ها مقاومت نشان می‌دهند (۶). گلیکوپپتیدها با مهار سنتز دیواره سلولی بر باکتری‌های گرم مثبت تاثیر می‌گذارند. گلیکوپپتیدها روی سطح خارجی سلول با انتهای‌های

درجه‌ی، ۴۵ ثانیه، ۳۵ سیکل؛ تکثیر نهایی: ۷۲ درجه ۵ دقیقه، یک سیکل استفاده گردید (۱۵).

بررسی حساسیت آنتی‌میکروبی و ژنوتیپ مقاومت به ونکومایسین: حساسیت آنتی‌بیوتیکی در برابر دیسک‌های ونکومایسین (۳۰ میکروگرم)، تیکوپلاتین (۳۰ میکروگرم)، آمپی‌سیلین (۱۰ میکروگرم)، جتامیسین (۱۰ میکروگرم)، نیتروفورانتوئین (۳۰ میکروگرم)، سپروفلوکسازین (۵ میکروگرم) اریترومایسین (۱۵ میکروگرم)، تتراسایکلین (۳۰ میکروگرم) کلرامفینیکل (۳۰ میکروگرم)، کوینوپریستین-دالفوپریستین (سینزرسید) (۱۵ میکروگرم)، لینزو لايد (۱۵ میکروگرم) به روش دیسک دیفیوژن و همچنین حداقل غلظت مهاری (MIC) ونکومایسین به روش میکرو آگار دایلوشن مطابق معیارهای CLSI ۲۰۱۱ تعیین گردید (۱۶). حضور ژن‌های مقاومت به ونکومایسین در سویه‌های VRE با استفاده از پرایمرهای اختصاصی ۵'-CTTTTTCCGGCTCGACTCCT-3' (vanA: ۵'- TACTGTTGGGGTTGCTC-3' به طول ۷۳۴ جفت باز و vanB: GGGGGGGAGGATGGTGGGATAGAG به طول ۳۲) آزمایش PCR قبلی ذکر شد، مورد بررسی قرار گرفت (۱۵). سویه‌های انتروکوکوس فسیوم ۵۱۵۵۹ ATCC و ۵۱۲۹۹۹ ATCC به عنوان سویه‌های انتروکوکوس فکالیس استاندارد به ترتیب جهت تعیین ژن‌های vanA و vanB مورد استفاده قرار گرفت.

یافته‌ها

فراوانی گونه‌های انتروکوکوک: در مجموع ۱۴۴ ایزوله انتروکوکوکی از نمونه‌های بالینی جمع‌آوری گردید که ۶۰ درصد سویه از نمونه‌های ادراری جدا شدند. که ۴۵ انتروکوکوس فسیوم (۵۲ درصد)، ۳۹ انتروکوکوس

روش بررسی

نمونه‌گیری و شناسایی گونه‌های انتروکوک: نمونه‌های ادراری از بیماران بستری در بخش‌های مختلف از جمله ICU، نفرولوژی، پیوند کلیه، پیوند کبد، هماتولوژی، گوارش، جراحی، ارتوپدی، قلب و انکولوژی چهار بیمارستان آموزشی (طالقانی، مفید، لقمان و لبافی نژاد) در شهر تهران در فاصله‌ی شهریور سال ۹۰ تا خرداد سال ۹۱ جمع‌آوری شد. این نمونه‌ها از آزمایشگاه‌های میکروب‌شناسی بیمارستان‌های مورد مطالعه جمع‌آوری شدند. سپس بر روی محیط اختصاصی Enterococcosel (BBL, USA) کشت داده شده، پس از ۲۴ ساعت انکوباسیون در ۳۵ درجه‌ی سانتی‌گراد، تغییر رنگ محیط از زرد به قهوه‌ای تیره تا سیاه نشان دهنده‌ی هیدرولیز اسکولین بود. انتروکوک‌ها و غیر انتروکوک‌ها و هر دو قادر به تجزیه‌ی اسکولین می‌باشند که جهت تشخیص آن دو از یکدیگر از رشد در براث حاوی ۵% کلرید سدیم بررسی گردید. سپس به منظور تشخیص گونه‌های انتروکوک بر اساس تست‌های بیوشیمیابی همچون تخمیر قند، بررسی حرکت و تولید پیگمان به منظور افتراق بهتر دو گونه انتروکوکوس فسیوم و انتروکوکوس فکالیس که نسبت به دیگر گونه‌ها از فراوانی بالاتری در ایجاد عفونتها و در محیط برخوردار هستند از روش PCR بر اساس وجود ژن‌های اختصاصی این دو گونه یعنی ژن ddl اختصاصی انتروکوکوس فسیوم و اختصاصی انتروکوکوس فکالیس GAGGCAGACCAGATTGACG-3', ۵۰ به طول ۶۵۸ جفت باز و (ddl *E. faecium*: TATGACAGCGACTCCGATTC-3') به طول ۹۴۱ باز با شرایط دناتوراسیون اولیه: در دمای ۹۴ درجه، پنج دقیقه و یک سیکل؛ دناتوراسیون: در دمای ۹۴ درجه، یک دقیقه، ۳۵ سیکل؛ اتصال: ۵۰ درجه‌ی یک دقیقه، ۳۵ سیکل؛ تکثیر: ۷۲

به ترتیب دارای بیشترین میزان VRE بودند (جدول ۲).

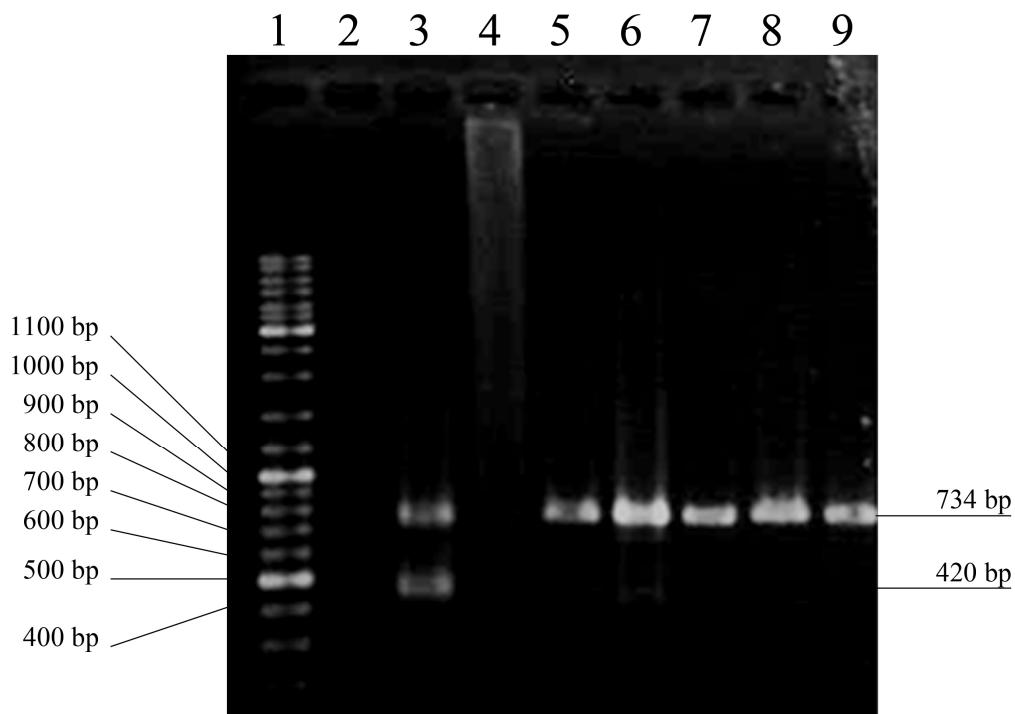
جدول ۱. الگوهای مقاومت آنتی‌بیوتیکی در سویه‌های مقاوم

به ونکومایسین انتروکوکوس فسیوم

الگوهای مقاومت آنتی‌بیوتیکی	(%) تعداد
Am/Gm/Cip/Te/E/Chl/Ni	۳ (% ۱۵/۷)
Am/Gm/Cip/Te/E/Chl	۱ (% ۲/۵)
Am/Gm/Cip/Te/E/Ni	۷ (% ۳۶/۸)
Am/Gm/Cip/Te/E	۸ (% ۴۲)

Am: آمپی سلین، Gm: جنتامایسین، Cip: سیپروفلوکساسین، Te: تراسیکلین، E: اریترومایسین، Chl: کلامفنیکل، Ni: نیتروفوراتئوین

فکالیس (۳/۴۵ درصد) و ۱/۶ (۱ درصد) را دیگر گونه‌های انتروکوکوس تشکیل می‌دادند. ۱۸ ایزوله (۶/۴۰ درصد) ادراری انتروکوکوس فسیوم از زنان و ۲۷ ایزوله (۳/۵۹ درصد) از مردان جدا گردید. فراوانی VRE از میان ۴۵ سویه انتروکوکوس فسیوم ۱۹ سویه (۲/۴۲ درصد) نسبت به ونکومایسین مقاوم بودند در حالی که هیچ کدام از سویه‌های انتروکوکوس فکالیس و انتروکوکوس گالیساروم به این آنتی‌بیوتیک مقاومتی نشان ندادند. تمامی VRE‌ها دارای ژن مقاومت به ونکومایسین نوع A (vanA) بودند (شکل ۱). بخش‌های پیوند کلیه (۷/۷)، درصد)، ICU (۶/۶ درصد) و نفرولوژی (۵/۵ درصد)



شکل ۱. تصویر ژل آگارز از نتایج تکثیر ژن‌های *vanA* و *vanB* به روش *Duplex PCR* چاهک شماره ۱؛ مارکر 2 kb (فرمتاز)، چاهک شماره ۲؛ نمونه کنترل منفی، چاهک شماره ۳؛ نمونه کنترل مثبت ژن *vanA* سویه انتروکوکوس فسیوم (ATCC51559) به طول 734 bp (ATCC51559) به طول 734 bp و کنترل مثبت ژن *vanB* سویه انتروکوکوس فکالیس (ATTCC 29212) به طول 420 bp چاهک شماره ۴؛ نمونه تست منفی، چاهک‌های شماره ۵، ۶، ۷ و ۹ نمونه‌های تست مثبت دارای ژن *vanA*.

مشاهده گردید $MIC_{50} \geq 128$ میکروگرم در میلی لیتر و ≥ 256 MIC_{90} میکرو گرم در میلی لیتر تعیین گردید. الگوهای مقاومتی غالب در سویه‌های VRE به ترتیب به صورت مقاومت همزمان به آمپسی‌سیلین / جنتامیسین / سسپروفلوکساسین / تتراسیکلین / اریترومایسین در ۴۲ درصد موارد و مقاومت همزمان به آمپسی‌سیلین / جنتامیسین / سسپروفلوکساسین / تتراسیکلین / اریترومایسین / نیتروفورانتوئین در ۳۹ درصد موارد مشاهده گردید (جدول ۱).

مقاومت آنتی‌بیوتیکی: تمامی سویه‌های VRE نسبت به آنتی‌بیوتیکهای تیکوپلاتین، آمپسی‌سیلین، جنتامیسین، اریترومایسین، سسپروفلوکساسین مقاوم بودند. بیشترین مقاومت پس از آنتی‌بیوتیکهای ذکر شده در برابر نیتروفورانتوئین در یازده (۷۸) درصد سویه مشاهده گردید. پنج سویه (۲۸/۵ درصد) سویه نسبت به کلرامفینیکل مقاوم و تمامی آنها به کوینوپریستین - دالفوپریستین (سینرسید) و لینزولاید حساس بودند. میزان MIC و نکومایسین از ۶۴ تا ۵۱۲ میکروگرم در میلی لیتر در سویه‌های VRE

جدول ۲. میزان (درصد) مقاومت به نکومایسین در میان سویه‌های انتروکوکوس فسیوم جدا شده از عفونت‌های ادراری بیماران

بستری در بخش‌های مختلف بیمارستان‌های مورد مطالعه

بخش‌های بیمارستان	VRE	E. faecium	نفرولوژی	پیوند کلیه	گوارش	ICU
۶ (%۱۳/۳)			۹ (%۲۰)	۹ (%۲۰)	۱۲ (%۲۶/۶)	۹ (%۲۰)
			۵ (%۵۵/۵)	۷ (%۷۷/۷)	۳ (%۲۵)	۶ (%۶۷/۶)

یک بوده ولی امروزه این نسبت در حال کاهش می‌باشد و نسبت عفونت‌های بیمارستانی ناشی از انتروکوکوس فسیوم در حال افزایش می‌باشد (۱۷). در برخی از نتایج گزارش شده از ایران نیز شاهد کاهش نقش انتروکوکوس فکالیس در عفونت‌های بیمارستانی ناشی از انتروکوکوها هستیم. در یک مطالعه که توسط امینی و همکاران در ایران در سال ۲۰۰۸ انجام گرفت نسبت عفونتهای ناشی از انتروکوکوس فکالیس به انتروکوکوس فسیوم ۱/۸ به ۱ گزارش شده است (۱۸). در یک مطالعه دیگر که در بیمارستان‌های تهران توسط سلطان‌دلال و همکاران در همان سال صورت گرفت در ۳۰ صد عفونت‌های ادراری، انتروکوکوس فسیوم جدا شده است (۱۹). نتایج حاصل از این تحقیق حاضر نیز چنین مطلبی را تایید می‌کند و سهم انتروکوکوس فسیوم حتی بیش از انتروکوکوس فکالیس در ایجاد عفونت‌های ادراری می‌باشد

بحث

عفونت‌های ادراری شایع‌ترین عفونت بیمارستانی ایجاد شده توسط انتروکوکها می‌باشند. در بیشتر موارد نیاز به شروع درمان این عفونت‌ها قبل از نتایج آزمایش‌های میکروب‌شناسی می‌باشد، لذا تجویز صحیح و منطقی آنتی‌بیوتیک‌ها در این گونه موارد بسیار حائز اهمیت می‌باشد. در سال‌های اخیر مطالعات فراوانی در مورد اپیدمیولوژی و مقاومت‌های آنتی‌بیوتیکی در عفونت‌های انتروکوکی در ایران صورت گرفته است. امروزه با توجه به افزایش انتروکوکهای چند مقاومتی به‌ویژه، سویه‌های انتروکوک فسیوم مقاوم به نکومایسین میزان عفونت‌های ناشی از انتروکوکوس فسیوم بیش از سایر گونه‌های انتروکوک می‌باشد. هر چند که در گذشته نسبت عفونت‌های ناشی از انتروکوکوس فکالیس بیش از انتروکوکوس فسیوم بوده است به طوری که نسبت آن ده به

در بیمارستان‌های تهران پرداخته‌اند نمونه‌های ادراری ۸۹ درصد از نمونه‌ها را تشکیل می‌دادند و تنها ۴/۶ درصد از این سویه‌ها به ونکومایسین مقاوم بودند. تمامی سویه‌های VRE دارای vanA بودند و مقاومت همزمان به ونکومایسین، جنتامیسین، آمپی سیلین، سیپروفلوکساسین و اریترومایسین الگوی مقاومتی غالب بوده و در ۴۷ درصد سویه‌های VRE مشاهده گردید (۳۱). در مطالعه‌ی حاضر منطبق با این تحقیق از ایران، vanA ژنوتیپ غالب در میان سویه‌های VRE انتروکوکس فسیوم می‌باشد. مقاومت همزمان به ونکومایسین، جنتامیسین، آمپی سیلین، سیپروفلوکساسین و اریترومایسین در ۴۲ درصد موارد، الگوی مقاومتی غالب بوده و مقاومت همزمان به آنتی‌بیوتیک‌های ذکر شده و نیتروفورانتوئین در ۳۶ درصد سویه‌های VRE مشاهده شده است.

در تحقیقی که توسط ژانل و همکاران در ایالات متحده صورت گرفت آنتی‌بیوتیک‌های لینزولاید، نیتروفورانتوئین، کلرامفینیکل، کوینوپریسیتین - دالفو پریستین موثرترین آنتی‌بیوتیک در درمان عفونت‌های ادراری ناشی از سویه‌های مقاوم به ونکومایسین انتروکوکوس فسیوم با ۰/۳، ۰/۶ و ۰/۴ درصد مقاومت به ترتیب و آمپی سیلین و سیپروفلوکساسین با ۹۶ و ۱۰۰ درصد مقاومت اثر بخشی ضعیفی علیه این سویه‌ها داشتند (۳۲). که در تحقیق حاضر تاثیر نیتروفورانتوئین بسیار پایین با مقاومت ۷۸٪ و کلرامفینیکل با ۲۸٪ مشاهده گردید. لینزولاید و سینرسید با مقاومت صفر در صد موثرترین و آمپی سیلین، جنتامیسین، سیپروفلوکساسین VRE و اریترومایسین با مقاومت ۱۰۰ درصد در سویه‌های نامناسب‌ترین آنتی‌بیوتیک شناخته شدند. یکی از دلایل عدم مقاومت به لینزولاید و سینرسید عدم تجویز فروزان این آنتی‌بیوتیک در بیمارستان‌های ایران و همچنین عرضه آن در سال‌های اخیر و به مقدار پایین در داروخانه‌های کشور می‌باشد (۳۳).

به‌طوری که نسبت عفونت ادراری حاصل از انتروکوکوس فسیوم به انتروکوکوس فکالیس ۱/۱۵ به ۱ (۴۵ در برابر ۳۹) مشاهده گردید. و در واقع اولین گزارشی است که در آن نسبت عفونت‌های انتروکوکوس فسیوم بیشتر می‌باشد. نتایج حاصل از این مطالعه حاکی از فراوانی بالای مقاومت نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های ونکومایسین، آمپی سیلین، جنتامیسین، نیتروفورانتوئین، سیپروفلوکساسین، که معمولاً توسط پزشکان جهت درمان عفونت‌های ادراری انتروکوکوکس تجویز می‌گردد (۲۰).

طبق تحقیق که توسط رهبر همکاران انجام دادند نیتروفورانتوئین آنتی‌بیوتیک نسبتاً موثری برای درمان عفونت‌های ادراری ناشی از سویه‌های VRE بوده است و مقاومت همزمان به ونکومایسین و نیتروفورانتوئین در بیماران بستری بیش از بیماران سر پایی بوده است (۲۱). ۴۲ درصد از سویه‌های انتروکوکوس فسیوم نسبت به ونکومایسین مقاوم بودند که این رقم بیش از ارقام گزارش شده در ایران و برخی کشورهای آسیایی و اروپایی ولی پایین‌تر از نتایج آمریکای لاتین (۴۸ درصد) و آمریکای شمالی (۷۶ درصد) می‌باشد. در واقع فراوانی VRE در آسیا کمتر از آمریکا می‌باشد و یکی از دلایل آن ظهور دیرتر این سویه‌ها در قاره آسیا می‌باشد (۲۲-۲۸). در مطالعه‌ای که در ایالات متحده صورت گرفته ۸۰ درصد سویه‌های انتروکوکوس فسیوم به ونکومایسین مقاوم بودند (۲۹)، تنها موردی که در ایران نسبت VRE ها بیش از نتایج حاصل از این مطالعه بوده، گزارشی است که توسط فیض آبادی و همکاران در سال ۲۰۰۸ از بیمارستان لبافی نژاد ارایه کرده‌اند که در آن میزان VRE ها ۷۰ درصد گردیده است. در حالی که تعداد نمونه‌های مورد گزارش گردیده است. در بررسی در مطالعه‌ی ما بیش از این تحقیق مذکور می‌باشد (۳۰). اخیراً در یک مطالعه که توسط صداقت و همکاران در ۲۰۱۲ منتشر شده، به بررسی مقاومت به ونکومایسین در سویه‌های انتروکوکوس فسیوم جدا شده از نمونه‌های بالینی

مقاومت باکتری‌های بیمارستانی از جمله سویه‌های مقاوم به ونکومایسین انتروکوک می‌شود (۲۵).

نتیجه‌گیری

در مجموع افزایش سویه‌های مقاوم به ونکومایسین انتروکوکوس فسیوم با مقاومت چندگانه در برابر سایر آنتی‌بیوتیک‌های موثر در درمان عفونت‌های ادراری جای بسی تامل و نگرانی می‌باشد. که این امر می‌تواند ناشی از تجویز بی‌رویه برخی آنتی‌بیوتیک‌ها در بیمارستان باشد. کسب مقاومت به ونکومایسین توسط انتروکوک‌ها تاثیرات جدی بر روند درمان و کنترل عفونت‌های ناشی از انتروکوک‌ها دارد.

طبق این تحقیق و دیگر مطالعات بیماران بستری در بخش‌هایی چون پیوند کلیه، ICU، نفوولوژی در معزض آلدگی بیشتری با سویه‌های VRE انتروکوکوس فسیوم در قرار دارند که می‌تواند ناشی از، بستری بودن طولانی مدت در بیمارستان، ضعف سیستم ایمنی در اثر عوامل زمینه‌ای و مصرف داروهای سرکوب کننده سیستم ایمنی و کهولت سن فشار آنتی‌بیوتیکی در محیط‌های بیمارستانی به دلیل تجویز فراوان و غیر منطقی بسیاری از آنتی‌بیوتیک‌ها به‌ویژه ونکومایسین و آنتی‌بیوتیک‌های وسیع الطیف، سفالوسپورین‌ها و مترونیدازول می‌باشد که باعث به هم خوردن فلور میکروبی دستگاه گوارش و مجال رشد پاتوژن‌های روده‌ای و افزایش

References

- 1- Fridken SK, Gynes RP. Antimicrobial resistant in intensive care units. *Clin Chest Med.* 1999; 20: 303-16.
- 2- Murray BE. Vancomycin resistant enterococcal infections. *New Engl J Med.* 2000; 342: 710-21.
- 3- Gold HS. Vancomycin resistant enterococci: mechanisms and clinical observations. *Clin Infect Dis.* 2001; 33: 210-9.
- 4- Zhanel G, Karlowsky JA, Hoban D. In vitro activities of six fluoroquinolones against Canadian isolates of vancomycin sensitive and vancomycin-resistant *Enterococcus* species. *Diagn Micr Infect Dis.* 1998; 31: 343-7.
- 5- Lai K K. Treatment of vancomycin-resistant *Enterococcus faecium* infections. *Arch Intern Med.* 1996; 156: 2579-84.
- 6- Suppola JP, Kolho E, Salmenlinna S, Tarkka E, Vuopio-Varkila J, Vaara M: *vanA* and *vanB* incorporate into an endemic ampicillin-resistant

vancomycin-sensitive *Enterococcus faecium* strain: effect on interpretation of clonality. *J Clin Microbiol.* 1999; 37: 3934-9.

- 7- Boyd DA, Willey BM, Fawcett D, et al. Molecular characterization of *Enterococcus faecalis* N06-0364 with low-level vancomycin resistance harboring a novel D-Ala-D-Ser gene cluster, *vanL*. *Antimicrob Agents Chemother.* 2008; 52: 2667-72.
- 8- McKessar SJ, Berry AM, Bell JM, et al. Genetic characterization of *vanG*, a novel vancomycin resistance locus of *Enterococcus faecalis*. *Antimicrob Agents Chemother.* 2000; 44: 3224-8.
- 9- Xu X, Lin D, Yan G, et al. *vanM*, a new glycopeptide resistance gene cluster found in *Enterococcus faecium*. *Antimicrob Agents Chemother.* 2010; 54: 4643-7.
- 10- Lebreton F, Depardieu F, Bourdon N, et al. D-Ala-D-Ser VanN-type transferable vancomycin

- resistance in *Enterococcus faecium*. *Antimicrobial Agents Chemother* 2011; 55: 4606-12.
- 11- Krcme'ry V, Sefton A. Vancomycin resistance in gram-positive bacteria other than *Enterococcus spp.* *Int J Antimicrob Agents*. 2000; 14: 99-105.
- 12- Dutka-Malen S, Molinas C, Arthur M, Courvalin P. Sequence of the vanC gene of *Enterococcus gallinarum* BM4174 encoding a D-alanine: D-alanine ligase-related protein necessary for vancomycin resistance. *Gene*. 1992; 112: 53-8.
- 13- Uttley AH, Collins CH, Naidoo J, George R. Vancomycin resistant enterococci. *Lancet*. 1988; i: 57-8.
- 14- Leclercq R, Derlot E, Duval J, et al. Plasmid-mediated resistance to vancomycin and teicoplanin in *Enterococcus faecium*. *N Engl J Med*. 1988; 319: 157-61.
- 15- Kariyama R, Mitsuhasha R, Chow JW, Clewell DB, Kumon H. Simple and reliable multiplex PCR assay for surveillance isolates of vancomycin-resistant enterococci. *J Clin Microbiol*. 2000; 38: 3092-95.
- 16- CLSI. Performance Standards for Antimicrobial Susceptibility Testing; 21th ed. Wayne, PA: *Clinical and Laboratory Standards Institute*. 2011; 31: 84-87.
- 17- Mundy LM, Sahm DF, Gilmore M. Relationships between enterococcal virulence and antimicrobial resistance. *Clin Microbiol Rev*. 2000; 13: 513-22.
- 18- Emaneini M, Aligholi M, Aminshahi M. Characterization of glycopeptides, aminoglycosides and macroloids resistance among *Enterococcus faecalis* and *Enterococcus faecium* from hospital in Tehran. *Pol J Microbiol*. 2008; 57: 173-178.
- 19- Soltan Dallal MM, Saifi M, Pourshafie MR, Eshraghian MR. High-level gentamicin-resistant enterococcal isolates from urinary tract infection in Iran. *Infect Dis Clin Pract*. 2008; 16: 41-45.
- 20- Wagenlehner FME, Naber KJ. New drugs for gram-positive uropathogens. *Int J Antimicrob Agents*. 2004; 24: 39-43.
- 21- Rahbar M, Hajia M, Farzanehkhan M. Activity of nitrofurantoin against urinary tract infection (UTI) isolates of vancomycin-resistant *Enterococci* (VRE): *Iran J Path*. 2007; 2: 171-174.
- 22- Cattoir V, Leclercq R. Twenty-five years of shared life with vancomycin-resistant enterococci: is it time to divorce? *J Antimicrob Chemother*. 2012; 68: 731-42.
- 23- Werner G, Coque TM, Hammerum AM, et al. Emergence and spread of vancomycin resistance among enterococci in Europe. *Euro Surveill*. 2008; 13: pii: 19046.
- 24- Putnam SD, Sader HS, Moet GJ, Mendes Re, Jones RN. Worldwide summary of telavancin spectrum and potency against gram-positive pathogens: 2007 to 2008 surveillance results. *Diagn Microbiol Infect Dis*. 2010; 67: 359-68.
- 25- Salem- Bekhit MM, Mussa I, Muhamram MM, Alanayz FK, Hefni HM. Prevalence and antimicrobial resistance pattern of multidrug-resistant enterococci isolated from clinical

- specimens. *Indian J Med Microbiol.* 2012; 30: 44-51.
- 26- Vidyalakshmi PR, Gopalakrishnan R, Ramasubramanian V, Abdul Ghafur K, Senthur Nambi P, Thirunarayana MA. Clinical, epidemiological, and microbiological profile of patients with vancomycin-resistant *Enterococci* from a tertiary care hospital. *J Glob Infect Dis.* 2012; 4: 137-38.
- 27- Yilmaz NO, Agus N, Yurtsever SG, Ozer E, Afacan G, Oner O. Prevalence and risk factors associated with vancomycin resistant enterococci colonization. *R Ci med biol Salvador.* 2009; 8: 283-291.
- 28- Talebi M, Rahimi F, Katouli M, Mollby R, Pourshafie MR. Epidemiologic link between wastewater and human vancomycin-resistant *Enterococcus faecium* isolates. *Curr microbial.* 2008; 56: 447-68.
- 29- Hidron AI, Edwards JR, Patel J, et al. NHSN annual update: antimicrobial-resistant pathogens associated with healthcare-associated infections: annual summary of data reported to the national healthcare safety network at the centers for disease control and prevention. 2006-2007. *Infect Control Hosp Epidemiol.* 2008; 29: 996-1011.
- 30- Feizabadi MM, Sayadi S, Shokrzadeh L, Parvin M, Yadegarnia D. Increase in prevalence of vancomycin resistant isolates of *Enterococcus faecium* at labbafinejad hospital. *Iran J Clin Infect Diseases.* 2008; 3: 73-77.
- 31- Sedaghat M, Rahimi F, Pourshafie MR, Talebi M. Studies of vancomycin resistance *enteroccus faecium* isolated from clinical samples from Tehran,Iran. *Current Research in Bacteriology.* 2012; 5: 53-58.
- 32- Zhanel MM, Laing MN, Nichol KA, et al. Antibiotic activity against urinary tract infection (UTI) isolates of vancomycin-resistant enterococci (VRE): results from the 2002 North American Vancomycin Resistant Enterococci Susceptibility Study (NAVRESS). *J Antimicrob Chemother.* 2003; 52: 382-388.
- 33- Saifi M, Pourshafie MR, Sultan Dallal MM, Katouli M. Clonal group of high -level gentamicin-resistant *E. faecium* isolated from municipal wastewater and clinical samples in Tehran, Iran. *Lett Apple Microbiol.* 2009; 49: 160-65.

Frequency of Vancomycin -Resistant *Enterococcus Faecium* Strains Isolated from Urinary Tract Infections (UTI) in 4 Hospitals of Tehran

Shokohizadeh L¹, Mohabati Mobarez A¹, Zali MR², Ranjbar R³, Alebouyeh M²

¹Dept. of Bacteriology, Faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modares University, Tehran, Iran

²Research Center of Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

³Molecular Biology Research Center, Baqiyatallah University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

Correspond Author: Dept. of Bacteriology, Faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modares University, Tehran, Iran.

E-mail: mmmobarez@modares.ac.ir

Received: 30 Jun 2013 **Accepted:** 7 Oct 2013

Background and Objective: Vancomycin-resistant *enterococci* (VRE) are the major causative agents of urinary tract infections (UTIs) in hospitalized patients. The aim of this study was to determine the prevalence of urinary tract infections caused by *enterococcus faecium* and the level of resistance to vancomycin and other antibiotics which are effective in enterococcal infection therapy of hospitalized patients in four university teaching hospitals of Tehran.

Materials and Methods: This study was carried out between September 2011 and May 2012. Urine samples were collected from hospitalized patients in Taleghani, Loghman, Mofid and Labaffi nejad Hospitals in Tehran. Enterococcus species were detected by biochemical and molecular tests. Antimicrobial susceptibility and minimum inhibitory concentration (MIC) of vancomycin were determined by disk diffusion and agar dilution methods. The presence of *vanA* and *vanB* genes were investigated in VRE strains by PCR.

Results: 86 enterococci were isolated from urine samples of which 45(52%) were *E.faecium*. 42.2% of *E. faecium* isolates were resistant to vancomycin (VRE) and showed *vanA* genotype. All VRE isolates were resistant to ampicillin, gentamicin, ciprofloxacin and erythromycin, and 78% were resistant to nitrofurantoin. Furthermore, all VRE isolates were sensitive to linezolid and quinupristin-dalfopristin. $\text{MIC}_{50} \geq 128$ and $\text{MIC}_{90} \geq 256$ were detected in the VRE strains.

Conclusion: The increase in the prevalence of vancomycin resistant *E. faecium* with high risk resistance profiles is a serious threat for some Iranian hospitals and limits the therapeutical options for patients infected with *E. faecium*.

Keywords: *Enterococcus faecium*, *Urinary tract infections*, *Vancomycin, resistance*